MAv\_104 Code

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_1.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_1\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_1.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_2.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_2\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_2.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_3.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_3\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_3.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_4.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_4\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_4.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_5.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_5\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_5.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_6.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_6\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_6.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_7.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_7\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_7.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_8.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_8\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_8.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_9.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_9\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_9.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_10.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_10\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_10.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_11.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_11\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_11.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_12.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_12\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_12.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_13.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_13\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_13.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_14.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_14\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_14.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_15.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_15\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_15.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_16.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_16\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_16.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_17.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_17\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_17.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_18.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_18\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_18.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_19.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_19\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_19.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_20.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_20\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_20.out &

nohup IntaRNA -t MAv\_104\_21.txt -q human\_mature\_miRNA.fasta --outMode=C --threads=2 --out MAv\_104\_21\_targets.txt &> nohuphsa-MAv\_104\_21.out &